

한국기초간호학회 교수연수 (안)

- KoGES 데이터 활용 연구를 위한 유전체학의 이해 -

- ▶ 대 상 : 간호학 교수 및 대학원생
- ▶ 일 시 : 2019년 7월 2일~4일 (3일간) 9:30AM ~ 5:00PM
- ▶ 장 소 : 경희대학교 스페이스 21관 간호과학대학 B128호실
- ▶ 신청안내
 - 신청(등록) 마감 : 2019년 6월 29일(토)까지 (선착순 : 1-2일차 최대 100명, 3일차 최대 50명)
 - 신청방법 : 홈페이지 등록 후 입금 또는
입금 후, 참가신청서를 작성하여 이메일(ad-bionursing@hanmail.net)로 송부
 - 문의: 총무간사(ad-bionursing@hanmail.net)
 - 등록비 입금계좌: 우리은행 1002-057-949730 (김혜진 재정이사)
 - 참가비용 : 환불불가입니다

	일반	대학원생
1-2일차	15만원	11만원
1-3일차	20만원	15만원
1일 등록	8만원	6만원

대중교통안내

지하철

1호선 회기역 1번 출구 이용
중앙선 회기역 1번 출구 이용

버스

경희의료원 하차 마을버스 01(회기역 1번 출구 앞)
경희대 입구 하차 273, 201
경희중고 하차 120, 147, 261, 273, 1222



(정문우측 38번 건물 : 간호대학)

▶ 일정

일 정			내 용	연사
7/2 1일차	9:30~9:50		등록	
	9:50~10:00		개회사	정재심회장
	DNA, 유전자, 유전체의 이해	10:00~12:00	○ DNA 및 유전자에 대한 이해	이향규교수 (연세대)
		12:00~13:00	○ Lunch	
		13:00~15:00	○ 전사, 번역, 유전자 발현 및 조절에 대한 이해	이향규교수 (연세대)
		15:00~15:30	○ Coffee break	
7/3 2일차	유전 다형성 및 연관의 이해	10:00~12:00	○ 멘델 유전 ○ 비멘델 유전(미토콘드리아 유전) ○ 가계도 분석	박종민박사 (경희대)
		12:00~13:00	○ 점심시간	
	후성유전체학의 이해	13:00~15:00	○ 유전적 다형성의 정의 및 증상(질병)에 미치는 영향 이해 ○ SNPs(single nucleotide polymorphism)의 인구학적·임상적 의의 ○ 유전적 연관에 대한 이해	전상은교수 (계명대)
		15:00~15:30	○ 후성유전체학에 대한 정의 ○ DNA 메틸화 및 히스톤 변형에 대한 이해	김연정교수 (경희대)
	약물유전체학의 이해	13:00~15:00	○ Coffee break	
		15:30~17:00	○ 약물유전체학에 대한 정의 ○ 약물유전체학에 대한 연구 및 임상 적용	이지현교수 (경희대)
7/4 3일차	SNPs 연구를 위한 연구방법론	10:00~11:40	○ 유전체연구를 위한 SNP 분석방법 ○ 데이터 분석에 사용된 개념 및 연구방법론 (Genetic models)에 대한 이해	문상훈박사 (국립보건원)
		11:40~12:00	○ Coffee break	
	KoGES 데이터 활용 논문 동향	12:00~13:00	○ KoGES 데이터를 활용한 논문작성의 실제 사례	문상훈박사 (국립보건원)
		13:00~14:00	○ 점심시간	
	KoGES 데이터 활용 논문을 대상으로 한 그룹별 토의	14:00~17:00	○ KoGES 데이터를 활용하여 출판된 논문을 그룹별로 분석 및 토론	Journal leader

▶ 저널리뷰 대상 논문

* 3일차 연수과정을 신청하신 분들은 아래 저널을 출력해 오시기 바랍니다.

Group	Title	Leader
1	Associations of sleep apnea, NRG1 polymorphisms, alcohol consumption, and cerebral white matter hyperintensities: analysis with genome-wide association data.	
2	Sex-specific differences in the association of a common aldehyde dehydrogenase 2 gene polymorphism and alcohol consumption with stroke risk in a Korean population: a prospective cohort study.	
3	Identification of FAM13A gene associated with the ratio of FEV1 to FVC in Korean population by genome-wide association studies including gene-environment interactions	
4	Genetic-risk assessment of GWAS-derived susceptibility loci for type 2 diabetes in a 10 year follow-up of a population-based cohort study	
5	Neuropeptide Y gene-by-psychosocial stress interaction effect is associated with obesity in a Korean population	
6	Interaction of iron status with single nucleotide polymorphisms on incidence of type 2 diabetes	